

De genetische basis van genderdysforie

Gepubliceerd: 08-01-2016 Laatste bijgewerkt: 19-04-2024

Het identificeren van genetische veranderingen die genderdysforie veroorzaken.

Ethische beoordeling	Goedgekeurd WMO
Status	Werving gestopt
Type aandoening	Seksuele disfuncties, stoornissen en genderidentiteit
Onderzoekstype	Observationeel onderzoek, met invasieve metingen

Samenvatting

ID

NL-OMON42698

Bron

ToetsingOnline

Verkorte titel

De genetische basis van genderdysforie

Aandoening

- Seksuele disfuncties, stoornissen en genderidentiteit

Synoniemen aandoening

Genderdysforie, transsexualiteit

Betreft onderzoek met

Mensen

Ondersteuning

Primaire sponsor: Leids Universitair Medisch Centrum

Overige ondersteuning: Ministerie van OC&W

Onderzoeksproduct en/of interventie

Trefwoord: Adolescent, Gender dysforie, Genetisch, Kind

Uitkomstmaten

Primaire uitkomstmaten

Secundaire uitkomstmaten

Niet van toepassing

Toelichting onderzoek

Achtergrond van het onderzoek

Bij genderdysforie is er sprake van een incongruentie tussen het toegewezen geslacht bij de geboorte en de ervaren genderidentiteit. De etiologie van genderdysforie is grotendeels onbekend. Studies vanuit verschillende biomedische disciplines - endocrien, genetisch, neuroanatomisch - suggereren dat genderidentiteit waarschijnlijk het resultaat is van een complexe interactie tussen biologische, omgevings- en culturele factoren. Verschillende studies suggereren erfelijkheid van genderdysforie. Met name een studie door Heylens et al. beschreef een 39.1% concordantie voor genderidentiteitsstoornis (gebaseerd op DSM-IV criteria) in 23 monozygote tweelingparen maar geen concordantie in 21 dizygote en 7 man/vrouw tweelingparen. Een specifieke genetische oorzaak van genderdysforie is niet bekend. Genen die hormoonreceptoren of enzymen betrokken bij de steroidogenese coderen lijken goede kandidaatgenen en zijn onderzocht maar de studies rapporteren tegenstrijdige resultaten.

De meeste studies zijn verricht bij volwassenen met genderdysforie, die een heterogene groep vormen. De etiologie van genderdysforie is mogelijk niet gelijk bij al deze personen; bij sommigen spelen sociale of seksuele factoren mogelijk een belangrijke rol. Adolescenten met early-onset genderdysforie vormen een meer homogene groep en genetische factoren zijn mogelijk een belangrijker determinant van genderdysforie in deze groep.

Doel van het onderzoek

Het identificeren van genetische veranderingen die genderdysforie veroorzaken.

Onderzoeksopzet

Observationele studie

Inschatting van belasting en risico

Belasting: 1 venapunctie. Bij patienten zal de bloedname voor DNA gecombineerd worden met een bloefafname tijdens de behandeling in het kader van routinezorg.

Risico: geen
Voordeel: geen

Contactpersonen

Publiek

Leids Universitair Medisch Centrum

Albinusdreef 2
Leiden 2333ZA
NL

Wetenschappelijk

Leids Universitair Medisch Centrum

Albinusdreef 2
Leiden 2333ZA
NL

Locaties

Landen waar het onderzoek wordt uitgevoerd

Netherlands

Deelname eisen

Leeftijd

Volwassenen (18-64 jaar)
65 jaar en ouder

Belangrijkste voorwaarden om deel te mogen nemen (Inclusiecriteria)

Adolescenten met early-onset genderdysforie die met behandeling zijn begonnen of gaan beginnen en hun ouders

Belangrijkste redenen om niet deel te kunnen nemen (Exclusiecriteria)

Geen

Onderzoeksopzet

Opzet

Type: Observationeel onderzoek, met invasieve metingen

Blinding: Open / niet geblindeerd

Controle: Geen controle groep

Doel: Algemeen wetenschappelijk

Deelname

Nederland

Status: Werving gestopt

(Verwachte) startdatum: 21-01-2016

Aantal proefpersonen: 300

Type: Werkelijke startdatum

Ethische beoordeling

Goedgekeurd WMO

Datum: 08-01-2016

Soort: Eerste indiening

Toetsingscommissie: METC Leiden-Den Haag-Delft (Leiden)

metc-ldd@lumc.nl

Registraties

Opgevolgd door onderstaande (mogelijk meer actuele) registratie

Geen registraties gevonden.

Andere (mogelijk minder actuele) registraties in dit register

Geen registraties gevonden.

In overige registers

Register	ID
CCMO	NL53632.058.15

Resultaten

Einddatum onderzoek:	05-07-2019
Totaal aantal deelnemers:	19